

XIII REUNIÓN NACIONAL DE MEJORA GENÉTICA ANIMAL

PROGRAMA

Día 28

16:00-16:30 Inauguración

16:30-17:30 CONFERENCIA INAUGURAL:

Antonio Bahamonde. *Aprendizaje automático en mejora ganadera.*

1ª Sesión: Información molecular aplicada. Modera Ana Navarro

17:30: 18:00 Presentación conjunta de: C. Óvilo, A. Fernández, E. De Pedro, J. García-Casco, C. Rodríguez, L. Silió *Asociación de una mutación no sinónima del gen mc4r con el crecimiento y rendimiento de piezas nobles en cerdos ibéricos;*
A. Fernández, A. Fernández, J. Estellé, C. Rodríguez, C. Óvilo. *Mapeo y caracterización del gen del polipéptido inhibidor gástrico (GIP) porcino;* J. H. Kim, H. T. Lim, E. W. Park, C. Rodríguez, L. Silió, L. Varona, A. Mercade, J. T. Jeon, C. Ovílo. *Asociación espuria entre polimorfismos del promotor del gen de la acil-coA deshidrogenasa de cadena mediana (ACADM) y caracteres de composición corporal en cerdos.*

18:00-18:30 PAUSA PARA CAFÉ

18:30-18:45 J. Estellé, M. Pérez-Enciso, A. Mercadé, L. Varona, E. Alves, A. Sánchez, J. M. Folch. *Caracterización del gen fabp5 porcino y su relación con el locus fat1 en un cruce Ibérico por Landrace.*

18:45-19:00 A.I. Fernández, L. Silió, C. Óvilo. *Caracterización del gen hairless, candidato para el fenotipo lampiño característico de una variedad de cerdos ibéricos.*

19:00-19:15 D. Gallardo, R. Pena, M. Amills, L. Varona, J. Soler, J. Tibau, J. Reixach, I. Díaz, J.M. Prat, J.L. Noguera, R. Quintanilla. *QTL sobre las concentraciones plasmáticas de colesterol y triglicéridos en porcino.*

19:15-19:30 S. T. Rodríguez-Ramilo, M. A. Toro, A. Caballero, J. Fernández. *Análisis de estimadores basados en información molecular para inferir el parentesco genealógico.*

19:30-19:45 A. Rodríguez, P. Fisher, R. Alberio, E. Gómez, C. Díez, L.J. Royo, J. N. Caamaño, S. Pérez, K.H.S. Campbell. *Aislamiento, cultivo y caracterización de líneas celulares embrionarias bovinas.*

21:30 (aprox.) CENA

Día 29

2ª Sesión: Canalización. Modera Oscar González-Recio

10:00-11:00 CONFERENCIA INVITADA: Daniel Sorensen. *Un modelo del control genético de la varianza ambiental: evidencia experimental y algunas implicaciones.*

11:00-11:15 N. Ibáñez, D. Sorensen, A. Blasco. *Selección por reducción de varianza.*

11:15-11:45 PAUSA PARA CAFÉ

3ª Sesión: Metodología y parámetros genéticos. Modera Evangelina López de Maturana

11:45-12:00 L. Varona, N. Ibáñez, R. N. Pena, J. L. Noguera, R. Quintanilla. *¿Es razonable un residuo simétrico?*

12:00-12:15 J. Casellas, J. Tarrés, J. Piedrafita, L. Varona. *Análisis del ajuste de los modelos de riesgos proporcionales mediante bootstrap paramétrico.*

12:15-12:30 A. Navarro, M.J. Zamorano, M.A. Pérez-Cabal, O. González-Recio, C. Mazorra, R. Ginés, J.M. Afonso. *Estimaciones preliminares de heredabilidades para caracteres de crecimiento en dorada (*Sparus auratus* L.).*

12:30-12:45 M. Ramón, M. Fernández, M.D. Pérez-Guzmán, P.J. Sánchez, M. Serrano. *Parámetros genéticos de los caracteres lecheros en la raza ovina manchega.*

12:45-13:00 A. Fernández, M.C. Rodríguez, L. Silió. *Evaluación genética del tamaño de camada en sucesivos partos en una línea materna de cerdos Large White.*

4ª Sesión: Sesión Póster

13:00-14:00 Sesión Póster. Modera Noelia Ibáñez.

L. Álvarez, M. Fuertes, F. San Primitivo, F. García-Marín, J.J. Arranz. *Variabilidad genética en la región codificante del gen Doppel (PRND) en ovejas afectadas de scrapie en Castilla y León.*

F. Goyache, J.L. Carús, I. Álvarez, J.P. Gutiérrez, I. Fernández, L.J. Royo. *Diversidad filogenética como método de utilidad en programas de conservación de recursos genéticos ganaderos.*

I. Álvarez, L.J. Royo, J. P. Gutiérrez, J.J. Arranz, I. Fernández, F. Goyache. *Pérdidas de diversidad genética en la raza ovina Xalda de Asturias debidas a la selección contra la susceptibilidad al scrapie.*

P. J. Azor, M. Luque, M. Valera, M. Herrera, A. Membrillo, E. Rodero y A. Molina. *Evaluación de un panel de microsatélites para el control de filiación en razas caprinas españolas de aptitud cárnica.*

S. Iglesias, J.J. Arranz, I. Álvarez, I. Fernández, L.J. Royo, F. Goyache. *Una nota sobre WinLoki: una interfaz de usuario para Loki.*

M. Soula, A. Navarro, M.J. Zamorano, J. Roo, F. Real, R. Ginés, C. Hernández-Cruz, J.M. Afonso. *Evaluación de los sistemas Visible Implant Elastomer (VIE) y Passive Integrated Transponder (PIT) para marcar alevines de bocinegro (Pagrus pagrus): efectos sobre el crecimiento, la mortalidad y la tasa de retención.*

M.A. Montañez, R. Ginés, A. Navarro, J.M. Afonso, H. Thorarensen. *Estima de heredabilidades para caracteres de crecimiento y tamaño de órganos cardiorrespiratorios en salvelino (Salvelinus alpinus).*

E.A. Gómez, A. Grimal, I. Salvador, M.P. Viudes-de-Castro, J. Bernácer, B. Martínez-Navalón, E. Hernández, A. Ribelles, M.A. Silvestre. *Conexión entre rebaños de cabras Murciano-Granadinas de la Comunidad Valenciana vía inseminación.*

N. Ibáñez, A. Moreno, C. Salgado, P. Piqueras, B. Nieto, J.P. Gutiérrez. *Resultados preliminares sobre parámetros genéticos para canalización del incremento de peso en ratones.*

M. Valera, M.D. Gómez, J.L. Morales, E. Agüera, J. Vivo, A. Rodero, A. Molina. *Estimación preliminar de los parámetros genéticos de las variables biocinémáticas al paso en caballos de Pura Raza Española en cinta rodante.*

L. F. B. Pinto, I. U. Packer, M. C. Ledur, R. L. R. Campos, A. S. A. M. T. Moura, M. Ambo, C. Boschiero, K. Nones, D. C. Ruy, E. E. Baron, M. Pérez-Enciso & L.

L. Coutinho. Quantitative trait loci by sex interactions for performance and carcass traits in a broiler x layer cross.

14:30 (aprox.) COMIDA

16:30 Salida en autobús para visita al [Museo del Minería de Asturias](#) (MUMI) en El Entrego

17:00 Visita al [Museo del Minería de Asturias](#) (MUMI) en El Entrego

20:00 Visita guiada al Llagar tradicional [TRABANCO](#) en [Llavandera](#) (Gijón)

21:00 Espicha en el llagar TRABANCO

Día 30

5ª Sesión: Selección e historia ganadera. Modera Pedro Azor.

- 10:00 CONFERENCIA INVITADA Albano Beja-Pereira y Tiago Antão. *Candidate genes under selection in domestic species.*
- 11:00-11:15 Ojeda, Pérez-Enciso et al. *La extrema variabilidad del gen FABP4 revela la complejidad de la historia porcina.*
- 11:15-11:45 PAUSA PARA CAFÉ

6ª Sesión: Mejora. Modera Silvia González Ramilo

- 11:45-12:00 M.D. Gómez, I. Cervantes, J.A. Gessa, A. Horcada, A. Molina, M. Valera. *Factores extrínsecos que condicionan las evaluaciones de los jueces en los concursos morfofuncionales de caballos de Pura Raza Española.*
- 12:00-12:15 O. González-Recio, R. Alenda. *Evaluación simultánea de la fertilidad del macho y de la hembra en el vacuno de leche.*
- 12:15-12:30 E. López de Maturana, E. Ugarte, H. Komen, J. A. M. van Arendonk. *Estimación del valor económico de facilidad de parto en la población frisona del país vasco.*
- 12:30-12:45 .A. Jiménez, J.J. Jurado. *Análisis del progreso genético en el programa de mejora de la raza Assaf de León.*
- 12:45-13:45 CONFERENCIA FINAL. Abel Ponce de León. *Genómica bovina: el cromosoma Y*

13:45-14:15 REUNIÓN FINAL

14:30 (aprox.) COMIDA