



Caracterización del caballo de corro de Asturias

Referencia: RZ03-011. Organismo financiador: Instituto Nacional de Investigación y Tecnología Agraria y Alimentaria. Importe: 35.362 €. Duración: 2004–2006.

<i>Equipo investigador</i>	<i>Organismo</i>
Luis José Royo Martín	SERIDA
Félix M ^a Goyache Goñi	SERIDA
Isabel Álvarez Fernández	SERIDA
Juan Pablo Gutiérrez García	Univ. Complutense de Madrid
José Luis Martínez Fernández	Univ. de Oviedo

Equipo técnico

Iván Fernández Suárez	SERIDA
-----------------------	--------

Entidad colaboradora

Asociación de Criadores García-Dory

Resumen y avance de resultados

El proyecto tiene por objetivos la caracterización morfológica y zoométrica del Caballo de Corro de Asturias, así como la evaluación de la variabilidad genética de esta raza. También, se pretende establecer las relaciones filogenéticas con el poni de raza Asturcón, utilizando, para ello, el análisis del ADN mitocondrial, marcadores moleculares neutros y la identificación de los polimorfismos responsables de la variación del color de la capa.

Caracterización morfológica

Se realizó una zoometría digital mediante la toma de tres fotografías (lateral, frontal y posterior) en 25 hembras reproductoras de raza Asturcón y 18 hembras reproductoras de la población de Caballo de Corro. Los resultados estadísticos evidencian las diferencias entre las áreas geográficas de recuperación y de manejo de los animales. Sin embargo, una vez ajustados estos efectos no se encuentran diferencias significativas entre los animales.

Variabilidad genética

Se obtuvieron 61 muestras de sangre de individuos de la población caballo de Corro y

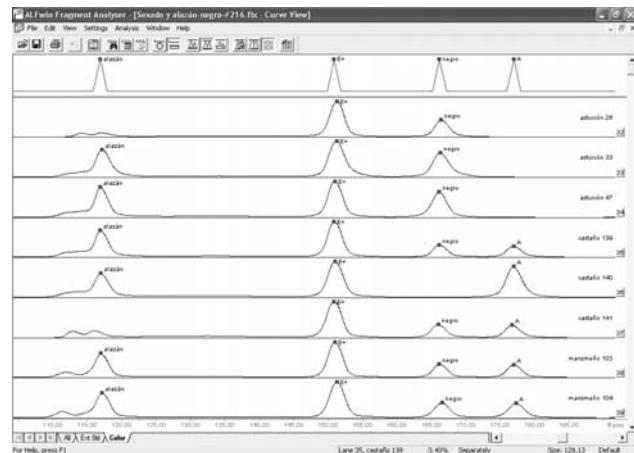


Figura 1.—Fragmentos de ADN del locus Extensión: 153 pb (alelo salvaje E⁺) y 118 pb (alelo alazán); y locus Agoutí: 180 pb (alelo salvaje A⁺) y 169 pb (alelo negro, delección 11pb)

376 de poni de Raza Asturcón. Se optimizó una batería de 16 marcadores microsatélite (AHT4, AHT5, ASB17, ASB2, ASB23, CA425, HMS1, HMS2, HMS3, HMS6, HMS7, HYG10, HTG4, HTG6, HTG7 y VHL20) para el genotipado de 51 individuos de Caballo de Corro y 23 de poni Asturcón. Asimismo, se secuenció el D-loop de 14 animales de Caballo de Corro y 12 asturcones. Los resultados obtenidos indican una falta de diferenciación entre los animales analizados. Asimismo, se desarrolló un método para el diagnóstico simultáneo de la presencia del alelo alazán en el *locus* Extensión y el alelo negro en el *locus* Agoutí (Figura 1).